

**Zákazník:** Marek Kučera, Na Betonce 1361/3, 15300 Praha 16- Radotín, Czech Republic

**Vyšetřovaný:**

Vzorek: 21-42683

Datum přijetí vzorku: 06.10.2021

Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

Údaje poskytnuté zákazníkem

**Jméno: Andara Becoming Queen**

**Rasa: Německý pinč**

Mikročip: 380 260 043 940 058

Registrační číslo: CMKU/NP/2346/-20/20

Datum narození: 28.02.2020

Pohlaví: samice

Datum odběru: 02.10.2021

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a Ing. Jana Kúsová, Genomia s.r.o.

Výsledek: D/D

**Komentář k výsledku**

Byla vyšetřena přítomnost genových variant c.-22G>A genu MLPH (melanophilin) vedoucí k ředění barvy srsti u psů. Jedná se o sérii alel lokusu D (Dilution). Gen MLPH zodpovídá za hustotu granulí pigmentů (eumelaninu) v chlupu. Přítomnost genové varianty c.-22A, alela d1, způsobuje úbytek granulí pigmentu v chlupu; původně černé zbarvení se projeví jako modré, hnědé zbarvení se zředí na lila.

Fenotypový projev alely d1 je děděn autosomálně recesivně. Ředění barvy se tedy projeví jen u jedinců (d1/d1), kteří zdědí alelu d1 od obou svých rodičů. U heterozygotních jedinců (výsledek testu D/d1) se zředění barvy neprojeví, ale jsou jeho přenašeči. Jedinci s výsledkem D/D nepřenaší ředění barvy.

Za ředění barvy u různých plemen psů je zodpovědná ještě genová varianta c.705C MLPH genu (alela d2). Ředění psi jsou také složeni heterozygoté d1/d2, kdy každá alela pochází od jiného rodiče.

Pravděpodobně budou nalezeny ještě další genové varianty zodpovědné na ředění barev. Výsledné zbarvení jedince je ovlivněno přítomností alel dalších lokusů (E, B, A, K).

Metoda: SOP175-MLPH, real-time PCR-ASA

Datum vystavení zprávy: 12.10.2021

Datum provedení zkoušky: 06.10.2021 - 12.10.2021

Schválila: Mgr. Lucie Magoči, analytik



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic  
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je CQ4R-9RHE-DKRM-D5W4-E5TJ. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.

Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.

Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.